

Porteurs du projet : Myriam HARRY¹, Elsa PETIT¹, Antoine BRANCA²

¹Université Paris Sud, Orsay/ LEGS CNRS UPR 9034 & DEEIT IRD UR072, Gif-sur-Yvette

²ESE UMR 8079 Université Paris Sud/CNRS/AgroparisTech, Orsay

Objectifs

- Mettre en place un réseau technique et de recherche portant sur l'utilisation des nouvelles approches de séquençage à haut débit (HTS : High Throughput Sequencing)
- En appui à l'étude des processus adaptatifs des organismes face aux changements globaux



- rassembler la communauté BASC utilisant ou souhaitant utiliser ces techniques
- informer et s'informer sur ces nouvelles techniques en faisant partager son savoir-faire aux autres membres de la communauté



Les HTS

-**Applications** : dans les différents domaines de la biologie, notamment liés à l'étude de l'environnement et de son évolution en termes de biodiversité ou de fonctionnement des écosystèmes

-**Molécules ciblées** : ADN, ARN, protéines, métabolites

- **Modèles** : tous les types d'organismes (virus, archées, bactéries, champignons, animaux, végétaux)

-**Echelles d'étude** : toutes les échelles (individus, populations, communautés, peuplements, écosystèmes)

Drowned in next generation sequencing data



454 HiSeq Chip
MiSeq Ion PGM
RNAseq SOLiD

Constitution et organisation du réseau

Animateurs du réseau :

identifier une personne par laboratoire concerné

Réunions : 4/an

Ateliers : 2/an sur une ½ journée à définir en fonction de la demande (acquisition de données, analyse de résultats ...)

Symposium : 1/an sur une journée

Contenu des réunions :

-veille technologique (exposés sur une technologie, débats scientifiques autour de quelques articles, problèmes méthodologiques rencontrés ...)

- partage d'information (formations, colloques, manifestations, plateformes, fournisseurs...)

- montage de projets collaboratifs

- ...

A vos agendas

Première réunion : jeudi 6 février 2014

9h30-12h LEGS Gif-sur-Yvette

Symposium : Avril 2014, Imagif

Adaptation & changements globaux : focus sur l'apport des HTS